

УДК 576:577:579:574 ББК 28.7 + 28.4 С23

С23 Сборник тезисов **25-**ой Пущинской школы-конференции молодых ученых с международным участием «БИОЛОГИЯ – НАУКА XXI ВЕКА». Пущино: ФИЦ ПНЦБИ РАН, 2022. – 379 с.

ISBN 978-5-91874-907-4

С 18 по 22 апреля в г. Пущино проходила юбилейная 25-ая Пущинская школа-конференция молодых ученых с международным участием «Биология – наука XXI века». На конференции были рассмотрены новейшие достижения и результаты исследований молодых ученых, специализирующихся в различных областях биологической науки. Были проведены мастер-классы и пленарные лекции ведущих ученых. В сборнике представлены тезисы 370 докладов участников конференции по следующим направлениям:

- микробиология и вирусология;
- биофизика и биоинформатика;
- молекулярная биология;
- биохимия;
- экология;
- почвоведение;
- биофармацевтика;
- биотехнология;
- физиология животных и фундаментальная биомедицина;
- физиология растений и фотобиология.

Публикуется в авторской редакции

УДК 576:577:579:574 ББК 28.7 + 28.4

Сборник издан при финансовой поддержке Министерства науки и высшего образования Российской Федерации в рамках проекта Федеральной научно-технической программы развития генетических технологий на 2019-2027 годы (Соглашение № 075-15-2021-1051).

ISBN 978-5-91874-907-4

[©] Коллектив авторов

[©] Федеральное государственное бюджетное учреждение науки «Федеральный исследовательский центр «Пущинский научный центр биологических исследований Российской академии наук», 2022



25-ая Пущинская школа-конференция молодых ученых с международным участием «Биология – наука XXI века» Пущино, 18–22 апреля 2022 г.

лечении/детоксикации при отравлении пестицидами. Мутанты фосфотриэстеразы термофильных архей $Sulfolobus\ solfataricus\ (\Phi T Э)$ проявили высокую эффективность в отношении фосфорорганических соединений $in\ vitro$.

Целью данной работы является создание нанореакторов с ферментом Φ ТЭ для детоксикации фосфорорганического пестицида параоксон (POX) и их исследование *in vitro* и *in vivo*.

Нанореакторы представляют собой низкополидисперсные полимерсомы (PDI=0,18) диаметром 139±3,5 нм и дзета-потенциалом -19 мВ, содержащие высокую концентрацию фермента (0,02 мМ). Полимерсомы получены в результате самосборки амфифильного блоксополимера полиэтиленгликоль-полипропиленсульфида (PEG-PPS) методом гидратации липидной пленки. Мембрана полимерсом обеспечивала проникновение РОХ внутрь нанореактора и выход нетоксичных продуктов реакции. Моделирование реакции нейтрализации РОХ в условиях второго порядка *in vitro* показало, что фермент ФТЭ (1 мкМ) инактивировал РОХ (5 мкМ) менее чем за 10 с при 25°C, pH 7,4.

В результате предварительного и постэкспозицинного введения нанореакторов, содержащих 1,6 наномоль фермента, наблюдался сдвиг LD_{50} (от 0,8 до 15 мг/кг) у мышей, при внутрибрющинном введении (в.б.) РОХ. Предварительное внутривенное введение 100 мкл нанореактора за 5 мин до введения РОХ (в.б.) защищало мышей от воздействия РОХ (7xLD₅₀). Введение нанореакторов с ферментом в качестве постэкспозиционной обработки через 1 мин после введения РОХ защищало мышей от воздействия $3,3xLD_{50}$ РОХ.

Таким образом, терапевтический нанореактор PEG-PPS, содержащий ФТЭ эффективен как при профилактике, так и при лечении мышей, отравленных POX.

Работа выполнена при финансовой поддержке гранта РНФ, проект № 20-14-00155. Литература.

- 1. T.N. Pashirova, A.V. Bogdanov, P. Masson, Chem.-Biolog. Interact, 2021, 346, 109577
- 2. L. Poirier, P. Jacquet, L. Plener, P. Masson, et al., Environ. Sci. Pollut. Res., 2021, 28, 25081-25106.

АНАЛИЗ СТРУКТУРЫ БЕЛКА MUTS ИЗ БАКТЕРИИ RHODOBACTER SPHAEROIDES

<u>Якушкина Ю.В.</u>¹, Монахова М.В.², Кубарева Е.А.²

¹ФГБОУ ВО Московский государственный университет имени М.В. Ломоносова, Москва, Россия;

²НИИ ФХБ имени А.Н. Белозерского, Московский государственный университет имени М.В. Ломоносова, Москва, Россия

dddd80486@gmail.com

В живых организмах от бактерий до человека существует система репарации неканонических пар нуклеотидов («мисматчей») и небольших петель, получившая название MMR (от англ. mismatch repair system). Неканоническими парами нуклеотидов, или «мисматчами», считаются все пары нуклеотидов, кроме Γ/Π и A/T. Белок MutS действует как



25-ая Пущинская школа-конференция молодых ученых с международным участием «Биология – наука XXI века» Пущино, 18–22 апреля 2022 г.

сенсор, сканирующий ДНК в поисках неканонических пар нуклеотидов и небольших инсерционно-делеционных петель.

Объектом данной работы является белок MutS из системы MMR бактерии R. sphaeroides, впервые выделенный в нашей научной группе, структура которого не была охарактеризована ранее.

Для понимания процессов, происходящих при репарации «мисматчей», требуются данные о структуре белка и функциях его доменов. Хорошо изучен MutS только из $E.\ coli.\ У$ разных организмов строение и функции доменов MutS несколько отличаются между собой. Следовательно, требуется изучение MutS из различных организмов.

Интерес к R. sphaeroides обусловлен вариабельностью её метаболического цикла и способностью выживать в различных условиях окружающей среды. Предположительно эти способности обусловлены наличием метилнезависимой MMR R. sphaeroides в отличие от E. coli.

В данной работе проведён сравнительный анализ первичной структуры белков MutS из различных организмов для выявления принадлежности MutS из R. sphaeroides к определённой группе с помощью алгоритмов BLAST (tblastn). Установлена принадлежность MutS из R. sphaeroides к группе MutS1, в которую входит также MutS из E. coli, охарактеризованы функциональные мотивы. Предсказана вторичная структура белка MutS из R. sphaeroides с помощью биоинформатических сервисов PSIPRED, SABLE, SSPro. Белок содержит (48±8)% α -спиралей, (14±4)% β -структур, (38±9)% неупорядоченных участков (n=3, P=0,95). Экспериментально показано, что денатурация белка MutS из R. sphaeroides начинается при 45°C. Методом кругового дихроизма с помощью программы CDPro алгоритмами CDSSTR, CONTINLL, SELCON определена вторичная структура MutS из R. sphaeroides в диапазоне температур 15–65°C. Показано, что для обработки спектров кругового дихроизма при низких температурах (15–30°C) наиболее подходящими алгоритмами из программы CDPro являются CONTINLL, CDSSTR, при высоких (35–65°C) — SELCON. Данные кругового дихроизма, полученные при 15°C, коррелируют с предсказанием вторичной структуры изучаемого белка с помощью биоинформатических сервисов.

Работа выполнена при поддержке РНФ (проект № 21-14-00161).
